

LABOKLIN GmbH & Co. KG . Postfach 1810 . DE-97668 Bad Kissinger

Madame
Veronique Grauffel
2 rue des Pres
67330 Griesbach Le Bastberg
Frankreich

Résultat d'analyses

Nr.: 1803-W-51168
Réception le: 16-03-2018
Date du résultat: 26-03-2018

ANIMAL:	Chien	Femelle	* 30.10.17
Propriétaire de l'animal:	Border Collie		
Nature du prélèvement:	Grauffel, Veronique		
Date de prélèvement:	Ecouvillon		

Name: Nesmee du Domaine du Baschberri
ZB-Nummer: 40958
Chip-Nummer: 250268600147691
Tattoo-Nummer: ---

Syndrome de Imerslund-GrEsbeck (IGS) - PCR

Résultat: génotype N/N (sain)
Interprétation: le chien examiné n'est pas porteur de la mutation responsable du syndrome de Imerslund-GrEsbeck (IGS). Il ne sera pas atteint par la maladie et ne transmet pas la mutation à sa descendance.
Ce résultat est uniquement valable pour la race Border Collie.

Syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS) - PCR

Résultat: génotype N/N
Interprétation: l'animal examiné est homozygote normal.
Il n'est donc pas porteur sur le gène VPS13B de la mutation responsable du syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS).
Mode de transmission: autosomique récessif.
Une corrélation entre cette mutation et cette maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie.

céroïde-lipofuscinose neuronale (NCL) - PCR

Résultat; génotype N/N (sain)

Identification du prélèvement: 1803-W-51168

LABOKLIN

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

Interprétation: le chien examiné est homozygote normal et porte donc 2 copies normales du gène concerné. Il est sain et ne développera pas la lipofuscinose neuronale céréoïde (NCL). Il ne transmettra donc pas à sa descendance la mutation responsable de la NCL. Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et soumis à analyse. Ce résultat est validé pour la race Border Collie.

Sensory Neuropathy (SN) - PCR

Résultat: génotype N/N

Interprétation: l' animal examiné est homozygote normal . Il n'est donc pas porteur sur le gène FAM-134B de la mutation responsable de la neuropathie sensitive.

Mode de transmission : autosomique récessif

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes : Border collie.

*Mutation du gène MDR1 (sensibilité médicamenteuse) - PCR

Résultat :génotype N/N (+/+)

Interprétation:le chien examiné est homozygote normal et ne porte donc pas la mutation dans le gène MDR1 responsable d'une hypersensibilité à certains médicaments, notamment l'ivermectine et ses dérivés. Il est sain et ne transmettra pas cette mutation à sa descendance.

Sont concernées les races suivantes: Colley, Berger australien, Bobtail, Border et Bearded Collies, Berger des Shetland, Whippet à poil long, Silken Windhound, Bergers allemand et blanc suisse (liste non limitative)

Le test génétique qui met en évidence la mutation nt230 (de14) du gène MDR1, est réalisé d'après la publication de Mealey et al. (2001) "Ivermectin sensitivity in collies is associated with a deletion mutation of the mdr1 gene."

Le test génétique MDR1 est réalisé par un laboratoire partenaire conformément aux exigences de la norme DIN EN ISO/IEC 17025. L'authentification des informations relatives aux prélèvements est de la responsabilité du donneur d'ordre.

***Collie Eye Anomaly (CEA) - PCR**

Résultat: Génotype N/N (libre)

Interprétation: Le chien examiné est sain (homozygote) pour le gène intact. Il n'est pas porteur de la mutation décrite comme responsable de l'Anomalie Oculaire du Colley (CEA/CH). Seul le gène intact sera transmis à la descendance. Le résultat vaut seulement pour les races de Colley, Border Collie, Berger australien, Shetland, Lonhaired Whippet, Retriever de la Nouvelle-Ecosse, Lancashire Heeler et Hokkaido.

B-locus (robe marron) - PCR

Résultat: génotype B/B

Interprétation: le chien examiné possède au locus B la combinaison d'allèles B/B. La couleur de base de sa robe est donc le noir et il n'est pas porteur du marron (autres appellations: chocolat, châtaigne, foie,..). Le chien transmettra uniquement le gène B à sa descendance.

Remarque:

le test du locus B (Brown, sur le gène TYRP1) recherche les 3 allèles avec des mutations causales différentes actuellement connues comme responsables de la couleur brune. Chez le Bouledogue français, le Yorkshire Terrier et d'autres petites races de chien, il existe probablement d'autres mutations non identifiées à ce jour responsable de la couleur brune. Un test génétique recherchant ces autres mutations n'est à ce jour pas disponible.

Prélèvement:

Le prélèvement issu de cet animal a été réalisé et authentifié de manière officielle par le vétérinaire suivant:

Docteur Rozei

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et analysé par le laboratoire. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Identification du prélèvement: 1803-W-51168

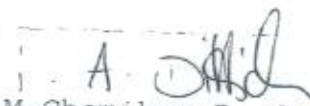
LABOKLIN

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée. Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO/IEC 17025:2005 pour les prestations de ce rapport d'analyses. (sauf les prestations des laboratoires partenaires)

Les remises accordées aux (membres des) clubs de race ont été appliquées pour les tests concernés par ces remises.

*** Fin du résultat ***


Hr. LM-Chemiker D. Schindelmann
Abt. Molekularbiologie

*: réalisation par un laboratoire partenaire